

Audrey Baguette
5285 Avenue Walkley, app.300
Montréal
H4V 2M4
418-805-1345
audrey.baguette@mail.mcgill.ca

Bilingue (*anglais, français*)

ÉTUDES

MSc Human Genetics (with thesis) *Automne 2018 à été 2020 (fin prévue)*
McGill University, Montréal, Qc, Canada
Programme de baccalauréat en bio-informatique *Automne 2015 à hiver 2018*
Université Laval, Québec, Qc, Canada
Baccalauréat international, profil santé (DEC) *Automne 2013 à hiver 2015*
Cégep François-Xavier Garneau, Québec, Qc, Canada

COMPÉTENCES PARTICULIÈRES

Cours : « Population Genetics », Université McGill *Hiver 2019*
Cours : « R pour scientifique », Université Laval *Hiver 2016*
Cours : « Génomique computationnelle », Université Laval *Hiver 2017*
Cours : « Statistiques génétiques : concepts et analyses », Université Laval *Hiver 2017*

Langues :

Français (langue maternelle)
Anglais (très bon)
Néerlandais (bon)

Informatique :

Langages : R, C++, Python, Bash, SQL, Java
Suite Office, Oracle SQL Developer, Pycharm, GitHub, Eclipse, R Studio, Cytoscape

Participation au Profil International :

Études dans le cadre d'un accord inter-universitaire à l'Université de Strasbourg pendant les sessions d'automne 2017 et d'hiver 2018.

EXPÉRIENCE PERTINENTE

Étudiante en Master *Poste actuel, depuis septembre 2018*
Laboratoire du Dr Guillaume Bourque, Department of Human Genetics, Université McGill, Québec

- Utiliser des données Hi-C et en déduire les compartiments
- Filtrer, normaliser et analyser des données RNA-seq

Stagiaire d'été

Mai à Juillet 2017

Laboratoire du Dr Alexandre Bureau, Centre de Recherche CERVO, Québec

- Filtrer des données de génotypage
- Phaser et imputer des polymorphismes génotypés
- Manipuler des données imputées
- Calculer des scores polygéniques
- Tester l'association entre une ou plusieurs variables explicatives et une variable réponse par une régression linéaire simple
- Tester l'association entre une ou plusieurs variables explicatives et une variable réponse par une régression log-binomiale
- Tester l'association entre une ou plusieurs variables explicatives et une variable réponse par une régression linéaire à effets mixtes
- Comparer différents modèles de régression avec un test anova

Stagiaire d'été

Mai à Septembre 2016

Laboratoire du Dr Steve Bilodeau, CHU de Québec, Québec

- Analyser des données de ChIA-PET (Chromatin Interaction Analysis by Paired-End Tag Sequencing)

- Analyser des données de ChIP-seq
- Modéliser des réseaux
- Créer des graphiques divers (histogrammes, diagrammes en boîte, graphes, etc.)
- Annoter des génomes
- Faire des analyses bootstap
- Coder, documenter et créer un package en R
- Rechercher la documentation relative à certaines fonctions
- « Former » des étudiants à un programme (expliquer comment charger et représenter des données dans cytoscape)

AUTRES EXPÉRIENCES DE TRAVAIL

Couturière

Nettoyeur Saint-Michel, Québec

Septembre à décembre 2014

Monitrice de ski - niveau 1

École de ski du Relais, Québec

Décembre 2012 à mars 2013 et décembre 2013 à mai 2014

ACTIVITÉS ET ENGAGEMENTS SOCIAUX

Trésorière au Conseil des Jeunes, Maison des Jeunes l'Escapade, Québec	<i>2011-2012</i>
Aide aux devoirs, Maison des Jeunes l'Escapade, Québec	<i>2011</i>
Présentation du spectacle Star-Odyssée, École secondaire de l'Odyssée, Québec	<i>2011</i>
Ministre de l'Environnement, Parlement au Secondaire à l'École secondaire de l'Odyssée, Québec	<i>2010-2011</i>

BOURSES ET DISTINCTIONS

Formation de maîtrise – Fonds de Recherche du Québec en Santé	<i>Automne 2018-été 2020</i>
Bourse de 1 ^{er} cycle en génétique – ACI de l'IRSC	<i>2017</i>
Bourse de 1 ^{er} cycle en génétique – ACI de l'IRSC	<i>2016</i>
Concours Canadien de Chimie : Prix spécial de mérite	<i>2014</i>
Concours Canadien de Chimie :	<i>2013</i>
- 1 ^{ère} place du classement du secondaire pour l' « Est du Québec »	
- 2 ^e place du classement général pour l' « Est du Québec »	
- 1 ^{ère} place du classement général de la province de Québec.	
- Prix spécial de mérite	

COMMUNICATIONS ET PUBLICATIONS

Understanding the repartition of transcriptional machinery in a 3D context *21 mai 2019*
Affiche présentée lors du Human Genetics Research Day, Université McGill, Québec

3^e auteure de l'article Boudaoud, I., Fournier, E., et al. *5 juillet 2017*
Connected Gene Communities Underlie Transcriptional Changes in Cornelia de Lange Syndrome. GENETICS Early online July 5, 2017; <https://doi.org/10.1534/genetics.117.202291>

Caractérisation des usines transcriptionnelles dans un contexte tridimensionnel *1^{er} septembre 2016*
Affiche présentée lors de la 6e Journée étudiante de l'Institut de Biologie Intégrative et des Systèmes, Québec

Caractérisation de la transcription selon le repliement tridimensionnel du génome *18 août 2016*
Affiche présentée lors de la 20e Journée Scientifique des Étudiants du centre de Recherche sur le Cancer de l'Université Laval. Québec